

## Analysen- und Leistungskatalog des Instituts für Pathologie Vöcklabruck

Fachbereich und Analysezeitdauer	Leistung/Parameter	Untersuchung	Matrix	Probengebinde	Begleitschein	Anmerkung
Prosektur (auf Anfrage)	Obduktion	Obduktion	verstorbene/r Patient*in	-	Anforderung über MPA (bei Stromausfall: <a href="#">FO Zuweisung Prosektur</a> )	nur für im SK verstorbene Patient*innen
Zytologie (1-5 Wochen)	Mikroskopische Befundung gynäkologischer Abstriche	Färbung und Mikroskopie	Abstrich	Objekträger	<a href="#">FO Zuweisung Gynäkologische Zytologie</a>	-
Histologie (1 Tag bis 2 Wochen)	Mikroskopische Befundung von Gewebepräparaten	Makroskopie, Schnitt, Färbung und Mikroskopie	Gewebe	adäquates Probengefäß mit natürlichem oder in Xylol fixiertem Material	<a href="#">FO Zuweisung Histologie</a> bzw. <a href="#">FO Zuweisung Histologie Gastroenterologie-Leber</a>	(immun)histochemische Färbungen (Ki67, PDL1 (SP263, Her2, Östrogen, Progesteron, etc. - genaue Auflistung im Ausnahmefall auf Anfrage)
Mikrobiologie (2 Tage bis 3 Wochen)	Sonikation	Beschallung und Kultivierung	Abstrich, Prothese	Sonifikationsgefäß	<a href="#">FO Zuweisung Sonikation</a>	nur für OÖG-Häuser
	Kultur auf Bakterien und/oder Pilze	Kultivierung	Blutkultur, Harn, Stuhl, Liquor, Sputum, Trachealsekret-/absaugung, Bronchialsekret, BAL	Blutkulturflaschen, Harn-, Stuhl-, Liquorröhrchen, Abstrich	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	-
	Legionellen-Pneumokokken-Ag	ELISA	Harn	Harnröhrenchen	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	-
	GBS-Screening	Kultivierung	Abstrich	ESwab	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	Material von Cervix und/oder Vagina
	MRGN-Screening	Kultivierung	Abstrich	ESwab	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	Material von Rachen und/oder Rektum
	VRE-Screening	Kultivierung	Abstrich	ESwab	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	-
	Enteritisserreger (Salmonella, Campylobacter, Shigella, EHEC)	PCR	Stuhl	Stuhlröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	-
	erweitertes Enteritisserreger (Yersinien, Plesiomonas, Vibrio, ETEC)	PCR	Stuhl	Stuhlröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	-
	Viren (Noro-, Adeno-, Rota-, Sapo-, Astrovirus)	PCR	Stuhl	Stuhlröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	-
	Parasiten (Giardia lamblia, Entamoeba, Cryptosporidien)	PCR	Stuhl	Stuhlröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	-
	Clostridium difficile	Toxin und PCR	Stuhl	Stuhlröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	-
	Wurmeier	PCR und Mikroskopie	Stuhl	Stuhlröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	Versand an Parasitologie Meduni Wien
	Tuberkulose	Mikroskopie, PCR und Kultivierung	Harn, Liquor, Sputum	Harn-, Liquorröhrchen, Sputumgefäß	<a href="#">FO Zuweisung Mikrobiologie</a>	Harn: am besten Morgenharn - 50 ml an drei aufeinanderfolgenden Tagen; Liquor: mind. 1ml; Sputum: mind. 3 ml; weitere Diagnostik durch Klinikum Wels-Grieskirchen

<b>Molekularpathologie</b> Infektiologie (1-7 Tage)	<b>Hepatitis B</b>	PCR (quantitativ)	EDTA-Blut	2 EDTA-Gelröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	-
	<b>Hepatitis C</b>	PCR (quantitativ)	EDTA-Blut	2 EDTA-Gelröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	-
	<b>SARS-CoV-2</b>	PCR	Abstrich	ESwab	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	-
	<b>SARS-CoV-2/ Influenza A/B/ RSV</b>	PCR	Abstrich	ESwab	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	-
	<b>Bordatella pertussis/ parapertussis</b>	PCR	Abstrich	ESwab	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	-
	<b>respiratorische Erreger der Atemwege</b> (Erregerpanel: Influenza A/B, SARS-CoV-2, RSV, RV/EV, Chlamydophila pn., hMPV, CoV, hPIV, Mycoplasma pn., Bordatella pertussis/parapertussis)	PCR	Abstrich	ESwab, BAL	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	<b>nur nach telefonischer Rücksprache!</b>
	<b>MRSA-Screening</b>	PCR	Abstrich	ESwab	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	-
	<b>Herpes simplex-Virus</b>	PCR	Liquor, Plasma, Serum, Abstrich	Liquorröhrchen, Plasma-, Serumröhrchen, Abstrich in NaCl oder ESwab	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	Plasma/Serum muss <b>innerhalb von 6 h zentrifugiert</b> werden (für Plasma sollten ausschließlich EDTA-Röhrchen <b>mit Gel</b> verwendet werden!)
	<b>Varizella-Zoster-Virus</b>	PCR	Liquor, Plasma, Serum, Abstrich	Liquorröhrchen, Plasma-, Serumröhrchen, Abstrich in NaCl oder ESwab	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	Plasma/Serum muss <b>innerhalb von 6 h zentrifugiert</b> werden (für Plasma sollten ausschließlich EDTA-Röhrchen <b>mit Gel</b> verwendet werden!)
	<b>Cytomegalie-Virus</b>	PCR (quantitativ)	Liquor, Plasma, Serum, Harn, Gewebe	Liquorröhrchen, Plasma-, Serumröhrchen, Gewebe in NaCl oder ESwab	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	Plasma/Serum muss <b>innerhalb von 6 h zentrifugiert</b> werden (für Plasma sollten ausschließlich EDTA-Röhrchen <b>mit Gel</b> verwendet werden!)
	<b>Chlamydia trachomatis</b>	PCR	Abstrich, Harn	Abstrich (Cobas CR Media Dual Swab), Harnröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	Harn: <b>Erststrahl</b> , davor 1 h nicht uriniert (bitte die Markierung "Urine Fill Line" am Röhrchen beachten!)
	<b>Neisseria gonorrhoeae (Gonokokken)</b>	PCR	Abstrich, Harn	Abstrich (Cobas CR Media Dual Swab), Harnröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	Harn: <b>Erststrahl</b> , davor 1 h nicht uriniert (bitte die Markierung "Urine Fill Line" am Röhrchen beachten!)
	<b>HPV-Typisierung</b>	PCR	Bürstenabstrich	Roche Cell Collection Medium	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	-
	<b>Trichomonas vaginalis</b>	PCR	Abstrich, Harn	Abstrich (Cobas CR Media Dual Swab), Harnröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung</a> <a href="#">Molekularpathologie-Infektiologie</a>	Harn: <b>Erststrahl</b> , davor 1 h nicht uriniert (bitte die Markierung "Urine Fill Line" am Röhrchen beachten!)

	<b>Mycoplasma genitalium</b>	PCR	Abstrich, Harn	Abstrich (Cobas CR Media Dual Swab), Harnröhrchen	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Infektiologie</a>	Harn: <b>Erststrahl</b> , davor 1 h nicht uriniert (bitte die Markierung "Urine Fill Line" am Röhrchen beachten!)
	<b>Helicobacter pylori</b>	PCR inkl. Clarithromycin-Resistenztestung	Stuhl, Biopsie	Stuhlröhrchen, Biopsieprobengefäß	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Infektiologie</a>	-
<b>Molekularpathologie Onkologie (1-4 Wochen)</b>	<b>Mammakarzinom</b>	Mutationsanalyse von 532 Genen inkl. Fusionsgene (55 Gene) und Bestimmung von TMB und MSI mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse der gesamten kodierenden Sequenz von BRCA1 und BRCA2 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. ERBB2 und PIK3CA mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse von Hotspots in 28 Genen inkl. ESR1 und PIK3CA mittels NGS	Plasma (Liquid Biopsy cfDNA)	cell-free DNA®BCT Röhrchen (Streck)	<a href="#">FO Begleitschein für Liquid Biopsy</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
	<b>Lungenkarzinom</b>	Mutationsanalyse von 532 Genen inkl. Fusionsgene (55 Gene) und Bestimmung von TMB und MSI mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. EGFR, KRAS und BRAF mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Translokationsanalyse von Hotspots von 14 Genen inkl. ALK, RET, ROS1, NTRK1, NTRK2, NTRK3 und MET Exon 14 Skipping mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse von Hotspots in 28 Genen inkl. EGFR, KRAS und BRAF mittels NGS	Plasma (Liquid Biopsy cfDNA)	cell-free DNA®BCT Röhrchen (Fa. Streck)	<a href="#">FO Begleitschein für Liquid Biopsy</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!

	<b>Kolorektales Karzinom</b>	Mutationsanalyse von 532 Genen inkl. Fusionsgene (55 Gene) und Bestimmung von TMB und MSI mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. KRAS, NRAS und BRAF mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
	<b>Blasenkarzinom</b>	Mutationsanalyse von 532 Genen inkl. Fusionsgene (55 Gene) und Bestimmung von TMB und MSI mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. FGFR3, HRAS und PIK3CA mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Translokationsanalyse von Hotspots von 14 Genen inkl. FGFR3 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
	<b>Prostatakarzinom</b>	Mutationsanalyse von 532 Genen inkl. Fusionsgene (55 Gene) und Bestimmung von TMB und MSI mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse der gesamten kodierenden Sequenz von BRCA1 und BRCA2 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse von Hotspots im Androgenrezeptor (AR) mittels ddPCR	Plasma (Liquid Biopsy)	Plasma (Liquid Biopsy)	<a href="#">FO Begleitschein für Liquid Biopsy PC</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
	<b>Endometriumkarzinom</b>	Mutationsanalyse von 532 Genen inkl. Fusionsgene (55 Gene) und Bestimmung von TMB und MSI mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!

		HRD (Homologous Recombination Deficiency) - Testung inkl. BRCA1 und BRCA2 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse der gesamten kodierenden Sequenz von BRCA1 und BRCA2 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse von Hotspots in 32 Genen inkl. POLE und TP53 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
	Ovarialkarzinom	Mutationsanalyse von 532 Genen inkl. Fusionsgene (55 Gene) und Bestimmung von TMB und MSI mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		HRD (Homologous Recombination Deficiency) - Testung inkl. BRCA1 und BRCA2 mittels NGS; HRD (Homologous Recombination Deficiency) - Testung inkl. BRCA1 und BRCA2 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse der gesamten kodierenden Sequenz von BRCA1 und BRCA2 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
	Melanom	Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. BRAF, NRAS und KIT mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
	Gastrointestinaler Stromatumor (GIST)	Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. PDGFRA und KIT mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
	Pankreaskarzinom	Mutationsanalyse von 532 Genen inkl. Fusionsgene (55 Gene) und Bestimmung von TMB und MSI mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!

		Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. ROS1, PIK3CA, PDGFRA, MET, KRAS, KIT, FGFR1, FGFR2, FGFR3, ERBB2, BRAF und AKT1 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
<b>Leberkarzinom</b>		Mutationsanalyse von 532 Genen inkl. Fusionsgene (55 Gene) und Bestimmung von TMB und MSI mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. MET, IDH1, IDH2, KRAS und BRAF mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Translokationsanalyse von Hotspots von 14 Genen inkl. FGFR2, NTRK1, NTRK2 und NTRK3 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
<b>Sonstiger Tumor, Mutationssuche</b>		Mutationsanalyse von 532 Genen inkl. Fusionsgene (55 Gene) und Bestimmung von TMB und MSI mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		HRD (Homologous Recombination Deficiency) - Testung inkl. BRCA1 und BRCA2 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse der gesamten kodierenden Sequenz von BRCA1 und BRCA2 mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie und FO Einverständniserklärung NGS-Genanalyse inkl. BRCA</a>	<b>Einverständniserklärung unbedingt erforderlich!</b> Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Mutationsanalyse von Hotspots in 32 Genen mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Translokationsanalyse von Hotspots von 14 Genen mittels NGS	FFPE	FFPE-Block	<a href="#">FO Zuweisung Molekularpathologie-Onkologie</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!
		Liquid Biopsy (cfDNA) Mutationsanalyse von Hotspots in 28 Genen mittels NGS	Plasma (Liquid Biopsy)	Cell-free DNA®BCT Röhrchen (Fa. Streck)	<a href="#">FO Begleitschein für Liquid Biopsy</a>	Telefonische Beratung durch Patholog*in empfohlen!

Detailinfos bzgl. Versand sind intern unter [FO Auftrags- und Partnerlaboratorien, Berater, Auditoren und Einsender](#) geregelt

Panel	Analysierte Gene
Liquid Biopsy (cfDNA) Mutationsanalyse von Hotspots in 28 Genen mittels NGS	ALK, AKT1, AR, BRAF, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2 (HER2), ESR1 , FGFR1, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MAP2K2, MET, NRAS, NTRK1, NTRK3, PIK3CA, PDGFRA, RET, ROS1, SMAD4, MTOR, TP53
Liquid Biopsy (cfDNA) Mutationsanalyse von Hotspots in 28 Genen inkl. ESR1 und PIK3CA mittels NGS	ALK, AKT1, AR, BRAF, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2 (HER2), ESR1 , FGFR1, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MAP2K2, MET, NRAS, NTRK1, NTRK3, PIK3CA, PDGFRA, RET, ROS1, SMAD4, MTOR, TP53
Mutationsanalyse von 532 Genen inkl. Fusionsgene (55 Gene) und Bestimmung von TMB und MSI mittels NGS	Varianten: ABL1, ABL2, ACVR1, ACVR1B, AKT1, AKT2, AKT3, ALK, ALOX12B, ANKRD11, ANKRD26, APC, AR, ARAF, ARFRP1, ARID1A, ARID1B, ARID2, ARID5B, ASXL1, ASXL2, ATM, ATR, ATRX, AURKA, AURKB, AXIN1, AXIN2, AXL, B2M, BAP1, BARD1, BBC3, BCL10, BCL2L1, BCL2L11, BCL2L2, BCL6, BCOR, BCORL1, BCR, BIRC3, BLM, BMPR1A, BRAF, BRCA1, BRCA2, BRD4, BRIP1, BTG1, BTK, C11orf30, CALR, CARD11, CASP8, CBFB, CBL, CCND1, CCND3, CCNE1, CD274, CD276, CD74, CD79A, CD79B, CDC73, CDH1, CDK12, CDK4, CDK6, CDKN1A, CDKN1B, CDKN2A, CDKN2B, CDKN2C, CEBPA, CENPA, CHD2, CHD4, CHEK1, CHEK2, CIC, CREBBP, CRKL, CRLF2, CSF1R, CSF3R, CSNK1A1, CTCF, CTLA4, CTNNNA1, CTNNB1, CUL3, CUX1, CXCR4, CYLD, DAXX, DCUN1D1, DDR2, DDX41, DHX15, DICER1, DIS3, DNAJB1, DNMT1, DNMT3A, DNMT3B, DOT1L, E2F3, EED, EGFL7, EGFR, EIF1AX, EIF4A2, EIF4E, EML4, EP300, EPCAM, EPHA3, EPHA5, EPHA7, EPHB1, ERBB2, ERBB3, ERBB4, ERCC1, ERCC2, ERCC3, ERCC4, ERCC5, ERG, ERRFI1, ESR1, ETS1, ETV1, ETV4, ETV5, ETV6, EWSR1, EZH2, FAM123B, FAM175A, FAM46C, FANCA, FANCC, FANCD2, FANCE, FANCF, FANG, FANCI, FANCL, FAS, FAT1, FBXW7, FGF1, FGF14, FGF19, FGF2, FGF23, FGF3, FGF4, FGF5, FGF6, FGF7, FGF8, FGF9, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FH, FLCN, FLI1, FLT1, FLT3, FLT4, FOXA1, FOXL2, FOXO1, FRS2, FRS2, FYN, GABRA6, GATA1, GATA2, GATA3, GATA4, GATA6, GEN1, GID4, GLI1, GNA11, GNA13, GNAQ, GPR124, GPS2, GREM1, GRIN2A, GRM3, GSK3B, H3F3A, H3F3B, H3F3C, HGF, HIST1H1C, HIST1H2BD, HIST1H3A, HIST1H3B, HIST1H3C, HIST1H3D, HIST1H3E, HIST1H3F, HIST1H3G, HIST1H3H, HIST1H3I, HIST1H3J, HIST2H3A, HIST2H3C, HIST2H3D, HIST3H3, HLA-A, HLA-B, HLA-C, HNF1A, HNRNP, HOXB13, HRAS, HSD3B1, HSP90AA1, ICOSLG, ID3, IDH1, IDH2, IFNGR1, IGF1, IGF1R, IGF2, IKBKE, IKZF1, IL10, IL7R, INHA, INHBA, INPP4A, INPP4B, INSR, IRF2, IRF4, IRS1, IRS2, JAK1, JAK2, JAK3, JUN, KAT6A, KDM5A, KDM5C, KDM6A, KDR, KEAP1, KEL, KIF5B, KIT, KLF4, KLHL6, KMT2B, KMT2C, KMT2D, KRAS, LAMP1, LAT51, LAT52, LMO1, LRP1B, LYN, LZTR1, MAGI2, MALT1, MAP2K1, MAP2K2, MAP2K4, MAP3K1, MAP3K13, MAP3K14, MAP3K4, MAPK1, MAPK3, MAX, MCL1, MDC1, MDM2, MDM4, MED12, MEF2B, MEN1, MET, MGA, MITF, MLH1, MLL, MLLT3, MPL, MRE11A, MSH2, MSH3, MSH6, MST1, MST1R, MTOR, MUTYH, MYB, MYC, MYCL1, MYCN, MYD88, MYOD1, NAB2, NBN, NCOA3, NCOR1, NEGR1, NF1, NF2, NFE2L2, NFKBIA, NKX2-1, NKX3-1, NOTCH1, NOTCH2, NOTCH3, NOTCH4, NPM1, NRAS, NRG1, NSD1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUP93, NUTM1, PAK1, PAK3, PAK7, PALB2, PARK2, PARP1, PAX3, PAX5, PAX7, PAX8, PBRM1, PDCD1, PDCD1LG2, PDGFRA, PDGFRB, PDK1, PDPK1, PGR, PHF6, PHOX2B, PIK3C2B, PIK3C2G, PIK3C3, PIK3CA, PIK3CB, PIK3CD, PIK3CG, PIK3R1, PIK3R2, PIK3R3, PIM1, PLCG2, PLK2, PMAIP1, PMS1, PMS2, PNRC1, POLD1, POLE, PPARG, PPM1D, PPP2R1A, PPP2R2A, PPP6C, PRDM1, PREX2, PRKAR1A, PRKCI, PRKDC, PRSS8, PTCH1, PTEN, PTPN11, PTPRD, PTPRS, PTPRT, QKI, RAB35, RAC1, RAD21, RAD50, RAD51, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD52, RAD54L, RAF1, RANBP2, RARA, RASA1, RB1, RBM10, RECQL4, REL, RET, RFWD2, RHEB, RHOA, RICTOR, RIT1, RNF43, ROS1, RPS6KA4, RPS6KB1, RPS6KB2, RPTOR, RUNX1, RUNX1T1, RYBP, SDHA, SDHAF2, SDHB, SDHC, SDHD, SETBP1, SETD2, SF3B1, SH2D1A, SHQ1, SLT2, SLX4, SMAD2, SMAD3, SMAD4, SMARCA4, SMARCB1, SMARCD1, SMC1A, SMC3, SMO, SNCAIP, SOCS1, SOX10, SOX17, SOX2, SOX9, SPEN, SPOP, SPTA1, SRC, SRSF2, STAG1, STAG2, STAT3, STAT4, STAT5A, STAT5B, STK11, STK40, SUFU, SUZ12, SYK, TAF1, TBX3, TCEB1, TCF3, TCF7L2, TERC, TERT, TET1, TET2, TFE3, TFRC, TGFB1, TGFB2, TMEM127, TMPRSS2, TNFAIP3, TNFRSF14, TOP1, TOP2A, TP53, TP63, TRAF2, TRAF7, TSC1, TSC2, TSHR, U2AF1, VEGFA, VHL, VTCN1, WISP3, WT1, XIAP, XPO1, XRCC2, YAP1, YES1, ZBTB2, ZBTB7A, ZFHX3, ZNF217, ZNF703, ZRSR2
Fusionen: ABL1, AKT3, ALK, AR, AXL, BCL2, BRAF, BRCA1, BRCA2, CDK4, CSF1R, EGFR, EML4, ERBB2, ERG, ESR1, ETS1, ETV1, ETV4, ETV5, EWSR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLI1, FLT1, FLT3, FLT4, FOXA1, FOXL2, FOXO1, FRS2, FRS2, FYN, GABRA6, GATA1, GATA2, GATA3, GATA4, GATA6, GEN1, GID4, GLI1, GNA11, GNA13, GNAQ, GPR124, GPS2, GREM1, GRIN2A, GRM3, GSK3B, H3F3A, H3F3B, H3F3C, HGF, HIST1H1C, HIST1H2BD, HIST1H3A, HIST1H3B, HIST1H3C, HIST1H3D, HIST1H3E, HIST1H3F, HIST1H3G, HIST1H3H, HIST1H3I, HIST1H3J, HIST2H3A, HIST2H3C, HIST2H3D, HIST3H3, HLA-A, HLA-B, HLA-C, HNF1A, HNRNP, HOXB13, HRAS, HSD3B1, HSP90AA1, ICOSLG, ID3, IDH1, IDH2, IFNGR1, IGF1, IGF1R, IGF2, IKBKE, IKZF1, IL10, IL7R, INHA, INHBA, INPP4A, INPP4B, INSR, IRF2, IRF4, IRS1, IRS2, JAK1, JAK2, JAK3, JUN, KAT6A, KDM5A, KDM5C, KDM6A, KDR, KEAP1, KEL, KIF5B, KIT, KLF4, KLHL6, KMT2B, KMT2C, KMT2D, KRAS, LAMP1, LAT51, LAT52, LMO1, LRP1B, LYN, LZTR1, MAGI2, MALT1, MAP2K1, MAP2K2, MAP2K4, MAP3K1, MAP3K13, MAP3K14, MAP3K4, MAPK1, MAPK3, MAX, MCL1, MDC1, MDM2, MDM4, MED12, MEF2B, MEN1, MET, MGA, MITF, MLH1, MLL, MLLT3, MPL, MRE11A, MSH2, MSH3, MSH6, MST1, MST1R, MTOR, MUTYH, MYB, MYC, MYCL1, MYCN, MYD88, MYOD1, NAB2, NBN, NCOA3, NCOR1, NEGR1, NF1, NF2, NFE2L2, NFKBIA, NKX2-1, NKX3-1, NOTCH1, NOTCH2, NOTCH3, NOTCH4, NPM1, NRAS, NRG1, NSD1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUP93, NUTM1, PAK1, PAK3, PAK7, PALB2, PARK2, PARP1, PAX3, PAX5, PAX7, PAX8, PBRM1, PDCD1, PDCD1LG2, PDGFRA, PDGFRB, PDK1, PDPK1, PGR, PHF6, PHOX2B, PIK3C2B, PIK3C2G, PIK3C3, PIK3CA, PIK3CB, PIK3CD, PIK3CG, PIK3R1, PIK3R2, PIK3R3, PIM1, PLCG2, PLK2, PMAIP1, PMS1, PMS2, PNRC1, POLD1, POLE, PPARG, PPM1D, PPP2R1A, PPP2R2A, PPP6C, PRDM1, PREX2, PRKAR1A, PRKCI, PRKDC, PRSS8, PTCH1, PTEN, PTPN11, PTPRD, PTPRS, PTPRT, QKI, RAB35, RAC1, RAD21, RAD50, RAD51, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD52, RAD54L, RAF1, RANBP2, RARA, RASA1, RB1, RBM10, RECQL4, REL, RET, RFWD2, RHEB, RHOA, RICTOR, RIT1, RNF43, ROS1, RPS6KA4, RPS6KB1, RPS6KB2, RPTOR, RUNX1, RUNX1T1, RYBP, SDHA, SDHAF2, SDHB, SDHC, SDHD, SETBP1, SETD2, SF3B1, SH2D1A, SHQ1, SLT2, SLX4, SMAD2, SMAD3, SMAD4, SMARCA4, SMARCB1, SMARCD1, SMC1A, SMC3, SMO, SNCAIP, SOCS1, SOX10, SOX17, SOX2, SOX9, SPEN, SPOP, SPTA1, SRC, SRSF2, STAG1, STAG2, STAT3, STAT4, STAT5A, STAT5B, STK11, STK40, SUFU, SUZ12, SYK, TAF1, TBX3, TCEB1, TCF3, TCF7L2, TERC, TERT, TET1, TET2, TFE3, TFRC, TGFB1, TGFB2, TMEM127, TMPRSS2, TNFAIP3, TNFRSF14, TOP1, TOP2A, TP53, TP63, TRAF2, TRAF7, TSC1, TSC2, TSHR, U2AF1, VEGFA, VHL, VTCN1, WISP3, WT1, XIAP, XPO1, XRCC2, YAP1, YES1, ZBTB2, ZBTB7A, ZFHX3, ZNF217, ZNF703, ZRSR2	
Mutationsanalyse von Hotspots in 28 Genen inkl. EGFR, KRAS und BRAF mittels NGS	ALK, AKT1, AR, BRAF, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2 (HER2), ESR1 , FGFR1, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MAP2K2, MET, NRAS, NTRK1, NTRK3, PIK3CA, PDGFRA, RET, ROS1, SMAD4, MTOR, TP53
Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen mittels NGS	AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR
Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. ERBB2 und PIK3CA mittels NGS	AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR
Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. EGFR, KRAS und BRAF mittels NGS	AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR
Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. KRAS, NRAS und BRAF mittels NGS	AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR
Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. FGFR3, HRAS und PIK3CA mittels NGS	AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR

Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. BRAF, NRAS und KIT mittels NGS	AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR
Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. PDGFRA und KIT mittels NGS	AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR
Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. ROS1, PIK3CA, PDGFRA, MET, KRAS, KIT, FGFR1, FGFR2, FGFR3, ERBB2, BRAF und AKT1 mittels NGS	AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR
Mutationsanalyse von Hotspots in 31 Genen inkl. MET, IDH1, IDH2, KRAS und BRAF mittels NGS	AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR
Mutationsanalyse von Hotspots in 32 Genen mittels NGS	AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR, POLE (Supplement)
Mutationsanalyse von Hotspots in 32 Genen inkl. POLE und TP53 mittels NGS	AKT1, ALK, BRAF, CCND1, CTNNB1, DDR2, EGFR, EIF1AX, ERBB2 (HER2), FGFR1, FGFR2, FGFR3, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MDM2, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, RET, ROS1, STK11, TERT, TP53, TSHR, POLE (Supplement)
Mutationsanalyse der gesamten kodierenden Sequenz von BRCA1 und BRCA2	BRCA1, BRCA2
Translokationsanalyse von Hotspots von 14 Genen mittels NGS	ALK, BRAF, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, ROS1
Translokationsanalyse von Hotspots von 14 Genen inkl. ALK, RET, ROS1, NTRK1, NTRK2, NTRK3 und MET Exon 14 Skipping mittels NGS	ALK, BRAF, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, ROS1
Translokationsanalyse von Hotspots von 14 Genen inkl. FGFR3 mittels NGS	ALK, BRAF, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, ROS1
Translokationsanalyse von Hotspots von 14 Genen inkl. FGFR2, NTRK1, NTRK2 und NTRK3 mittels NGS	ALK, BRAF, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, ROS1
Translokationsanalyse von Hotspots von 14 Genen inkl. FGFR2, NTRK1, NTRK2 und NTRK3 mittels NGS	ALK, BRAF, EGFR, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, ROS1
HRD (Homologous Recombination Deficiency) - Testung inkl. BRCA1 und BRCA2 mittels NGS	gesamte kodierende Sequenz von BRCA1 und BRCA2 und von 24000 Einzelnukleotidpolymorphismen zur Bestimmung des Genomic Scar Scores (GSS)